

姓名：汤芳

性别：女

毕业院校：南京农业大学

最高学位：博士

办公地址：逸夫楼 4049

办公电话：025-84395328

电子邮箱：tfalice@126.com



研究方向：动物细菌病的病原学、致病机理、诊断技术及免疫防治研究

个人简介：

2003/09-2008/06, 南京农业大学, 动物医学院动物医学系, 学士;

2008/09-2013/06, 南京农业大学, 动物医学院预防兽医学系, 博士;

(2011/9-2012/4, 荷兰国家兽医中心研究所学习);

2013/06 - 2015/12, 南京农业大学, 动物医学院预防兽医学系, 讲师;

2016/01 - 至今, 南京农业大学, 动物医学院预防兽医学系, 副教授

科研项目：

- 1、“不同来源大肠杆菌全基因组完成图及比较基因组学分析”，中央高校基本科研业务费专项资金，主持，2013/05-2016/05
- 2、斑马鱼模型研究猪链球菌噬菌体 SMP 增强宿主 SS2-4 毒力的机制，江苏省自然科学基金，主持，2014/07-2017/06
- 3、全基因组表达谱芯片分析猪链球菌噬菌体 SMP 增强宿主菌毒力的机制，国家自然科学基金，主持，2015/01-2017/12
- 4、表观修饰与病原细菌适应性进化，国家重点基础研究发展计划（973 计划），参与，2015-2019
- 5、禽腺病毒病诊断及防控办法研究，横向课题，主持，2016-2017
- 6、家禽重要疫病诊断与检测新技术研究，国家重点研发计划，参与,2016-2020

荣誉奖项:

2013 年获南京农业大学动物医学院青年教师授课大赛三等奖

2014 年获南京农业大学动物医学院青年教师授课大赛二等奖

2014 年获勃林格英格翰奖教金

2015 年获南京农业大学动物医学院青年教师授课大赛一等奖

发明专利: 无

近年代表性论著:

- Yaxin Li ¹, Haojin Wang ¹, Jianluan Ren, Ling Chen, Xiangkai Zhuge, Lin Hu, Dezhi Li, **Fang Tang***, Jianjun Dai. The YfcO fimbriae gene enhances adherence and colonization abilities of avian pathogenic *Escherichia coli* in vivo and in vitro. *Microbial Pathogenesis*. 2016, 100:56-61.
- Yaxin Li, Jianjun Dai, Xiangkai Zhuge, Haojin Wang, Lin Hu, Jianluan Ren, Ling Chen, Dezhi Li and **Fang Tang***. Iron-regulated gene *ireA* in avian pathogenic *Escherichia coli* participates in adhesion and stress-resistance. *BMC Veterinary Research*. 2016, 12:167
- 汤芳, 潘子豪, 李德志, 马琳, 熊毅, 陆承平*. 一株分离自流浪猫的猪链球菌9型的分子生物学鉴定. *微生物学报*. 2016, 56(2): 275-282.
- 汤芳, 陆承平*. 猪链球菌的烈性噬菌体和前噬菌体. *微生物学报*. 2015, 55(4): 389 — 394.
- **Fang Tang**, Dezhi Li, Haojin Wang, Zhe Ma, Chengping Lu, Jianjun Dai*. Prophage Lysin Ply30 Protects Mice from *Streptococcus suis* and *Streptococcus equi* subsp. *zooepidemicus* Infections. *Applied and Environmental Microbiology*. 2015, 81(21): 7377-7384
- **Fang Tang**, Wei Zhang, Chengping Lu*. Lysogenic *Streptococcus suis* isolate SS2-4 containing prophage SMP showed increased mortality in zebra fish compared to the wild-type isolate. *PLoS One*. 2013, 8(1): e54227.
- **Fang Tang**, Alex Bossers, Frank Harders, Chengping Lu*, Hilde Smith*. Comparative genomic analysis of twelve *Streptococcus suis* (pro)phages.

Genomics. 2013,101:336-344.

- **Fang Tang**, Alex Bossers, Frank Harders, Chengping Lu*, Hilde Smith*. Complete Genome Sequence of the Streptococcus suis temperate bacteriophage phiNJ2. Genome Announcements. 2013,1(1): e00008-12.
- Qinqin Bai, Wei Zhang, Yongchun Yang, **Fang Tang**, Xuanhoa Nguyen, Guangjin Liu, Chengping Lu*. Characterization and genome sequencing of a novel bacteriophage infecting Streptococcus agalactiae with high similarity to a phage from Streptococcus pyogenes. Arch Virol. 2013, 158:1733–1741.
- Yanzhe Li, Mianmian Chen, **Fang Tang**, Huochun Yao, Chengping Lu, and Wei Zhang *. Complete Genome Sequence of the Novel Lytic Avian Pathogenic Coliphage NJ01. Journal of Virology. 2013, 86(24): 13874–13875.
- **Fang Tang**, Yanzhe Li, Wei Zhang*, Chengping Lu*. Complete Genome Sequence of T4-Like Escherichia coli Bacteriophage HX01. Journal of virology. 2012, 86(24):13871.